



UNIVERSITÀ
DI TORINO



UNIVERSITÀ
DEGLI STUDI
DI MILANO



IEO
Istituto Europeo
di Oncologia

COMUNICATO STAMPA

TUMORE AL SENO

IDENTIFICATO UN NUOVO MECCANISMO MOLECOLARE ALLA BASE DELLE FORME PIÙ AGGRESSIVE

Publicati sulla prestigiosa rivista "Nature Communications" i risultati di una ricerca coordinata da Università di Torino, Università Statale di Milano e Istituto Europeo di Oncologia (IEO) e sostenuta da Fondazione AIRC.

Milano - Torino, 11 maggio 2023. Una nuova chiave di lettura per comprendere i tumori della mammella più aggressivi nasce dagli studi condotti in collaborazione tra due gruppi di scienziati di Milano e Torino. Hanno coordinato la ricerca la professoressa **Paola Defilippi**, ordinario di Biologia applicata e Responsabile del Laboratorio di ricerca "Piattaforme di segnalazione nei tumori" presso il **Dipartimento di Biotecnologie Molecolari e Scienze per la Salute dell'Università di Torino**, e il professor **Salvatore Pece**, ordinario di Patologia generale all'**Università Statale di Milano** e Direttore del **Laboratorio "Tumori Ormono-Dipendenti e Patobiologia delle Cellule Staminali"** dell'**Istituto Europeo di Oncologia (IEO)**. I risultati dello studio, sostenuto da **Fondazione AIRC** per la ricerca sul cancro, sono appena stati pubblicati sulla rivista **Nature Communications**.

La ricerca ha portato alla scoperta di un inedito meccanismo molecolare con cui i tumori mammari si arricchiscono in cellule staminali tumorali. A loro volta queste cellule, da un lato, funzionano da forza motrice della crescita della massa tumorale e, dall'altro lato, sopprimono la risposta immunitaria naturale che, a livello del microambiente circostante il tumore, dovrebbe invece contrastare la crescita del cancro.

All'origine dell'intero processo c'è verosimilmente **p140Cap**, una proteina in grado di inibire la crescita tumorale. La sua assenza, che caratterizza almeno il 40-50% di tutti i casi di tumori mammari umani, determina una cascata di eventi che portano all'**attivazione incontrollata del gene responsabile della sintesi di beta-Catenina, una potente proteina coinvolta nella crescita tumorale**. Una volta attivata, la beta-Catenina provoca l'espansione del compartimento delle cellule staminali tumorali. A loro volta queste cellule rilasciano citochine anti-infiammatorie, inibendo così direttamente la risposta immunitaria anti-tumorale e creando un ambiente favorevole all'ulteriore crescita del tumore.

"Dunque p140Cap – sottolinea la professoressa Paola Defilippi – si comporta come una specie di interruttore molecolare che, tramite l'inibizione di beta-Catenina e la conseguente riduzione del compartimento delle cellule staminali tumorali, esercita una duplice funzione anti-tumorale: inibisce l'espansione della massa tumorale e sostiene una efficiente risposta immunitaria anti-tumorale nel microambiente circostante".

"Attraverso studi clinici retrospettivi in coorti di pazienti – continua il professor Salvatore Pece – abbiamo dimostrato una chiara correlazione tra bassi livelli della proteina p140Cap nei tumori mammari più aggressivi e ridotta presenza di cellule del sistema immunitario, in particolare linfociti, nelle aree circostanti il tumore. Questi dati suggeriscono che p140Cap potrebbe essere utilizzato come un utile biomarcatore nella pratica clinica, per identificare i tumori mammari con alterazioni della risposta immunitaria anti-tumorale".

Spiega Vincenzo Salemme, ricercatore del **Dipartimento di Biotecnologie Molecolari e Scienze per la Salute dell'Università di Torino** e primo autore dell'articolo: *"Il meccanismo molecolare con cui p140Cap inibisce a monte l'attività della beta-Catenina dipende dal fatto che la prima proteina è parte di un complesso macchinario multi-proteico deputato a distruggere la stessa beta-Catenina, che così non si accumula eccessivamente all'interno della cellula. In assenza di p140Cap questa funzione è alterata, come accade in alcuni tumori mammari, dove aumentano di*

conseguenza sia i livelli di beta-Catenina, sia la sua azione capace di influire sull'espansione delle cellule staminali tumorali”.

Continua la professoressa **Paola Defilippi**: *“Nel corso degli ultimi anni è emerso in modo chiaro che tra i principali responsabili all'origine della formazione e della continua crescita dei tumori ci sono le cellule staminali tumorali. Si tratta di cellule dotate di capacità illimitata di auto-rinnovamento e in grado di sostenere nel tempo la crescita della massa tumorale. In nostri precedenti studi avevamo già messo in luce il ruolo inibitore di p140Cap sulla crescita tumorale e stabilito che la perdita di questa proteina è legata a una maggiore aggressività biologica e a un decorso clinico più sfavorevole di alcuni tipi di tumori mammari. Non avevamo però ancora una completa comprensione del meccanismo d'azione specifico e della varietà di conseguenze funzionali legate alla perdita di p140Cap sulla crescita tumorale. Ora, attraverso questi studi sappiamo che questa funzione dipende da un'azione diretta di p140Cap sull'attività di beta-Catenina. Inoltre, grazie ai risultati ottenuti sia in topi di laboratorio con tumore mammario, sia in campioni ottenuti da pazienti, abbiamo compreso che la presenza di p140Cap è fondamentale. Infatti questa proteina, inibendo le cellule staminali tumorali, da un lato blocca direttamente la crescita del tumore e dall'altro lato permette una efficiente risposta immune anti-tumorale nel microambiente circostante il tumore stesso”.*

*“Sappiamo inoltre – aggiunge la professoressa **Defilippi** – che possiamo inibire l'azione tumorigenica delle cellule staminali tumorali e, al contempo, ripristinare una efficiente risposta immunitaria anti-tumorale nei tessuti circostanti la neoplasia. Ciò è possibile simulando la funzione di p140Cap all'interno del macchinario di distruzione della beta-Catenina, attraverso l'utilizzo di farmaci al momento disponibili solo per uso sperimentale”.*

*“I risultati dei nostri studi – sottolinea il professor **Pece** – si collocano nella prospettiva di alcuni tra i più importanti concetti emersi nella ricerca oncologica degli ultimi anni, nel tentativo di spiegare l'aggressività biologica e clinica dei tumori, in particolare di quelli mammari. Sappiamo oggi che i tumori più aggressivi e con decorso clinico più sfavorevole sono quelli arricchiti in cellule staminali tumorali, oppure quelli in grado di sfuggire alla risposta immunitaria naturale, rendendo inefficienti i meccanismi di barriera anti-tumorale esercitati dalle cellule del sistema immunitario. La nostra scoperta, dell'esistenza di un nuovo circuito molecolare p140Cap/beta-Catenina, apre a una prospettiva concreta per la stratificazione a fini terapeutici delle pazienti con tumore mammario che hanno perduto p140Cap. Tale perdita è infatti alla base dell'acquisizione contemporanea di entrambe queste caratteristiche aggressive della biologia dei tumori mammari. Grazie a questi risultati le pazienti potrebbero beneficiare in futuro di nuove terapie per colpire le cellule staminali tumorali e ripristinare una efficiente risposta immunitaria contro il cancro. Terapie di questo tipo sono oggi l'obiettivo delle principali linee di ricerca per lo sviluppo di nuovi farmaci in oncologia”.*

*“Questo studio rappresenta per noi motivo di grande soddisfazione – conclude il professor **Pece** – non solo per la sua valenza scientifica ma anche perché dimostra l'importanza dello sforzo cooperativo tra gruppi di ricerca che fondono differenti competenze scientifiche e piattaforme tecnologiche per far avanzare la conoscenza della biologia dei tumori mammari e aprire nuove prospettive terapeutiche per le pazienti”.*